

圖 1. 萬代蘭花芽衍生分生苗葉片誘導 PLB 的情形 (A,B)葉基部的細胞分裂能力強可誘導較多的 PLB (C)葉尖誘得的 PLB (D)葉中段誘導產生的 PLB

蓮霧、木瓜及南瓜 SSR 分子標誌建立及在品種鑑定之應用 宋品慧、陳富永、蔡奇助

作物育種是農業發展的基礎，加上品種保護是世界的潮流，因此發展一套穩定且可信的分子標誌供作物品種鑑定是刻不容緩。本研究主要目的在建立蓮霧、木瓜及南瓜的 SSR 分子標誌鑑定技術，在蓮霧方面，以粉紅種葉片為材料，利用磁珠富集法(Enrichment by magnetic beads)進行 SSR 基因座之選殖，獲得 161 個 SSR 基因座，以 AG、GA 或 CT、TC 為單位的重複序列，完成 161 條蓮霧 SSR 引子的篩選，獲取 75 個具穩定擴增性 SSR 引子組，其中 60 個 SSR 引子組具多型性；在木瓜方面，從基因庫的轉錄體定序資料中搜尋 SSR 引子，選擇三核苷酸重複序(trinucleotide repeat)或以上，且重複套數 8 或以上的 SSR 基因座進行分析，設計 40 組木瓜 SSR 專一性引子組，針對 25 木瓜品種(系)進行分析，目前獲得 25 個 SSR 具可擴增性，其中有 18 個 SSR 基因座具多型性。在南瓜方面，搜尋南瓜 SSR 基因座文獻，進行 24 南瓜品種(系)分析，選擇選擇 4(含)以上的多態條帶的 SSR 基因座進行分析，設計 16 組南瓜 SSR 專一性引子組，針對 24 南瓜品種(系)進行分析，獲得 10 個 SSR 具可擴增性，且 10 個 SSR 基因座皆具多型性。

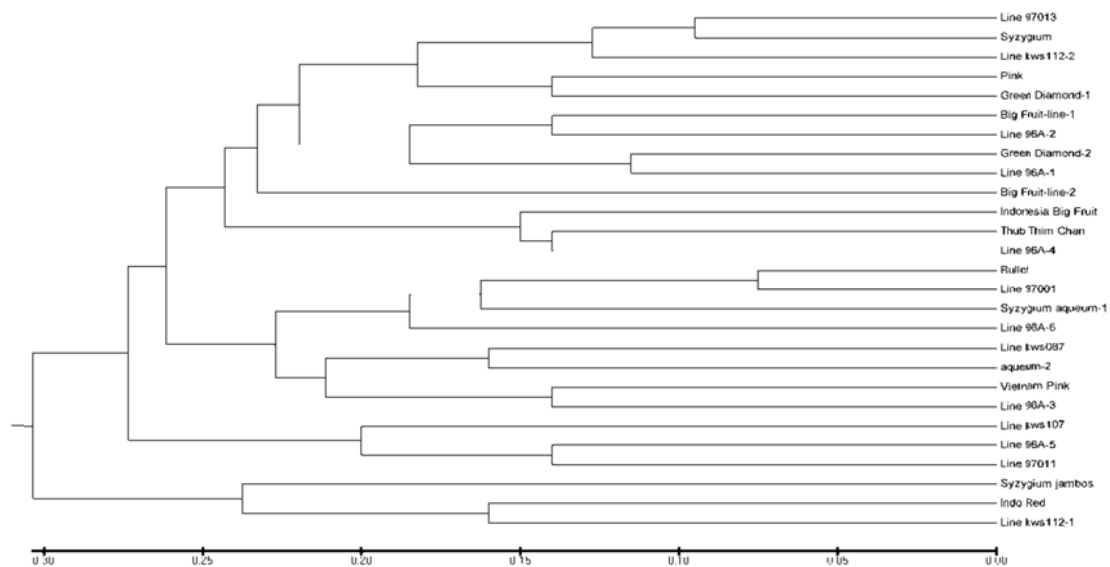


圖 1. 27 個蓮霧品種(系)親緣關係樹狀圖

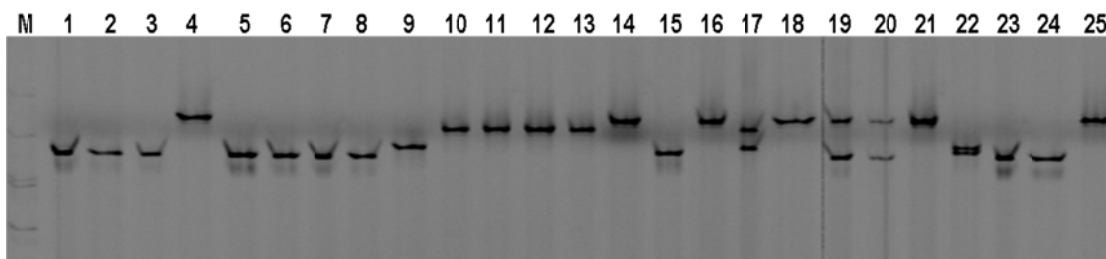


圖 2. 以 SSR-472 基因座之引子組分析 25 個木瓜品種(系)

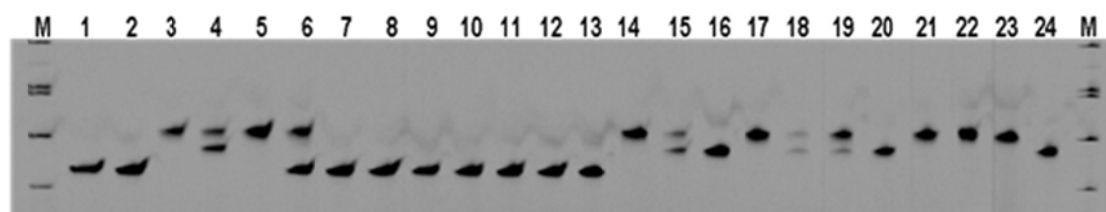


圖 3. 以 SSR-m90 基因座之引子組分析 24 個木瓜品種(系)