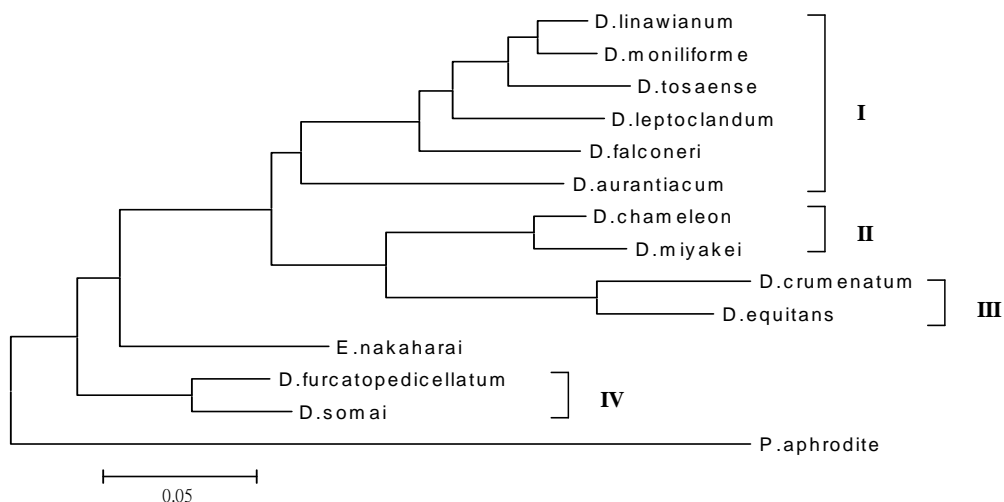


台灣原生石斛蘭種原親緣關係之研究

蔡奇助

本研究藉由分析核糖體核酸(ribosomal DNA, rDNA)內轉錄間隔區(internal transcribed spacer, ITS)之序列，以探討台灣12種原生石斛蘭的遺傳距離。將各種原生石斛蘭之ITS序列比對編排，共可產生684個分子特徵，由這些分子標誌可以換算出各種石斛蘭的遺傳距離及構築出種原間的親緣關係樹狀圖。由樹狀圖得知，櫻石斛(*Dendrobium linawianum*)、白花石斛(*D. moniliforme*)、黃花石斛(*D. tosaense*)、細莖石斛(*D. leptoclandum*)及紅鸞石斛(*D. falconeri*)與金草石斛(*D. aurantiacum*)成一類；鷹爪石斛(*D. chameleon*)與紅花石斛(*D. miyakei*)成一類；此外，鵲石斛(*D. crumenatum*)與燕石斛(*D. equitans*)成一類。另外，大雙花石斛(*D. furcatopedicellatum*)與小雙花石斛(*D. somai*)成一類，但與其它石斛蘭遺傳距離甚遠。本研究支持原歸為石斛蘭屬的連珠石斛(*E. nakaharai*)應與石斛蘭屬分開，並且也發現大雙花石斛與小雙花石斛也不適合置於石斛蘭屬內。



台灣原生石斛蘭親緣關係樹狀圖