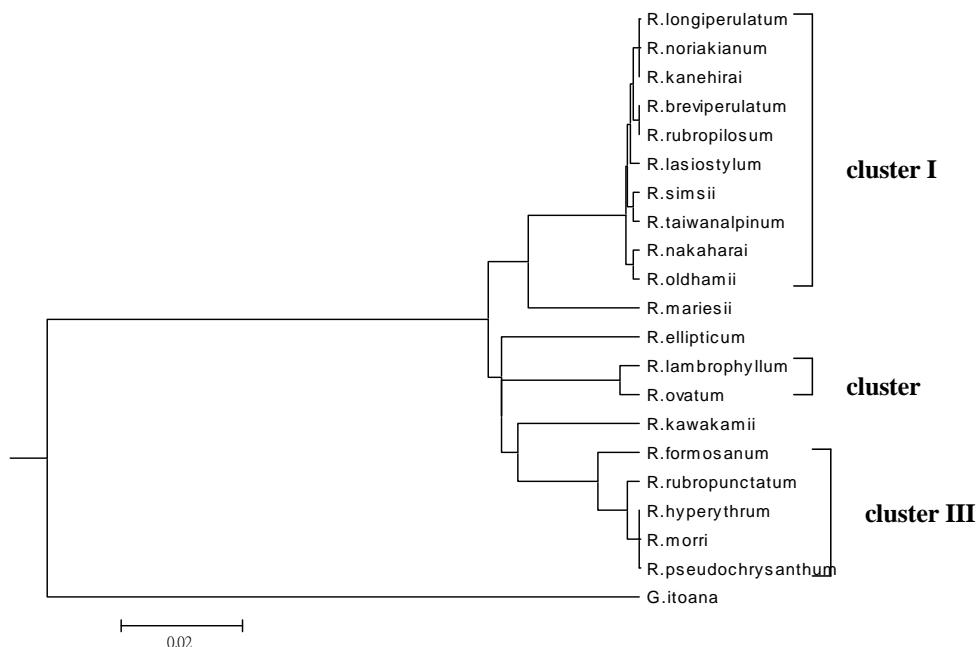


台灣原生杜鵑種原親緣關係之研究

蔡奇助

本研究藉由分析核糖體核酸(ribosomal DNA, rDNA)內轉錄間隔區(internal transcribed spacer, ITS)之序列，以探討台灣20種原生杜鵑的親緣關係。將20種杜鵑的ITS序列比較排列後，經Kimura 2-parameters換算物種兩兩間的遺傳距離(genetic distance)，發現這20種杜鵑間的遺傳距離介於0 - 0.062間，並完成親緣關係樹狀圖(phylogenetic tree)。根據樹狀圖所呈現之物種間的親緣關係，台灣的原生杜鵑主要可以分成6群，其中埔里杜鵑(*Rhododendron lasiostylum*)、紅毛杜鵑(*R. rubropilosum*)、烏來杜鵑(*R. kanehirai*)、南澳杜鵑(*R. breviperulatum*)、金毛杜鵑(*R. oldhamii*)、細葉杜鵑(*R. noriakianum*)、中原氏杜鵑(*R. nakaharai*)、台灣高山杜鵑(*R. taiwanalpinum*)、大屯杜鵑(*R. longiperulatum*)與唐杜鵑(*R. simsii*)歸於第1群；長卵葉馬銀花(*R. lamprophyllum*)與馬銀花(*R. ovatum*)歸在第2群；南湖杜鵑(*R. hyperythrum*)、森氏杜鵑(*R. morri*)、台灣杜鵑(*R. formosanum*)及玉山杜鵑(*R. pseudochrysanthum*)與紅星杜鵑(*R. rubropunctatum*)歸在第3群。此外，西施花、黃花杜鵑及守城滿山紅則分別自成一群。上述ITS序列所得的親緣關係與目前台灣原生杜鵑所歸屬的系統分類進一步比較，發現在亞屬及節的層次皆很相符。



台灣原生杜鵑親緣關係樹狀圖